

个人简介

基本信息

荀卫兵

江苏泰州人，中共党员，副教授，硕士生导师。



联系方式

南京农业大学资源与环境科学学院

资环楼 A609（实验室），行政北楼 D208（办公室）

邮箱：xunwb@njau.edu.cn

研究领域

根际微生物与作物养分高效微生物肥料

固体有机废弃物资源化利用

一、教育经历

2007.09-2011.06：南京农业大学生命科学学院 生物科学(国家理科基础科学研究与教学人才培养基地)专业 学士(理学)。

2011.09-2015.09：南京农业大学资源与环境科学学院 植物营养与肥料学系 博士(农学)。

二、工作经历

2016.06-2019.06：南京农业大学资源与环境科学学院 植物营养与肥料学系 师资博士后/讲师。

2019.07-至今：南京农业大学资源与环境科学学院 植物营养与肥料学系 副教授。

三、主持项目

1. “南京农业大学高层次引进人才科研启动经费”，030-804021，南京农业大学，100 万，2019.07-2024.07，主持；

2. “玉米根际氮磷高效利用的功能微生物组装配机制”，2018QNRC001，中国科协青年人才托举工程资助计划，45 万，2018.01-2020.12，主持；

3. “不同有机物料培肥下土壤团粒结构形成及相关有机碳转化的微生物驱动机制”，41601252，国家自然科学基金委，20 万，2017.01-2019.12，主持；

4. “不同有机物料培肥下土壤团粒结构形成及相关有机碳转化的微生物驱动机制”，KJQN201748，中央高校基本业务费专项资助，10 万，2017.01-2019.12，主持；

5. “玉米根内微生物群落形成及其与根外群落的相互作用研究”，2016M601833，中国博士后科学基金面上资助，5 万，2016.10-2019.06，主持；

6. “土壤微生物多样性形成的驱动机制及其对生态功能的影响”，2017T100379，中国博士后科学基金特别资助，15 万，2017.06-2019.06，主持。

四、发表论文（近五年、一作）

1. **Xun W[#]**, Li W, Xiong W, Ren Y, Liu Y, Miao Y, Xu Z, Zhang N, Shen Q*, Zhang R*. 2019. Diversity-triggered deterministic bacterial assembly constrains community functions. **Nature Communications** 10, 3833.

2. **Xun W[#]**, Yan R, Ren Y, Jin D, Xiong W, Zhang G, Cui Z, Xin X*, Zhang R*.

2018. Grazing-induced microbiome alterations drive soil organic carbon turnover and productivity in meadow steppe. **Microbiome** 6, 170.

3. Xun W[#], Li W, Huang T, Ren Y, Xiong W, Miao Y, Ran W, Li D, Shen Q, Zhang R*. 2018. Long-term agronomic practices alter the composition of asymbiotic diazotrophic bacterial community and their nitrogen fixation genes in an acidic red soil. **Biology and Fertility of Soils** 54, 329–339.

4. Xun W[#], Huang T, Li W, Ren Y, Xiong W, Ran W, Li D, Shen Q, Zhang R*. 2017. Alteration of soil bacterial interaction networks driven by different long-term fertilization management practices in the red soil of South China. **Applied Soil Ecology** 120, 128–134.

5. Sun L[#], Xun W[#] (Co-first), Huang T, Zhang G, Gao J, Ran W, Li D, Shen Q, Zhang R*. 2016. Alteration of the soil bacterial community during parent material maturation driven by different fertilization treatments. **Soil Biology and Biochemistry** 96, 207–215.

6. Xun W[#], Xiong W, Huang T, Ran W, Li D, Shen Q, Li Q, Zhang R*. 2016. Swine manure and quicklime have different impacts on chemical properties and composition of bacterial communities of an acidic soil. **Applied Soil Ecology** 100, 38–44.

7. Xun W[#], Zhao J, Xue C, Zhang G, Ran W, Wang B, Shen Q, Zhang R*. 2016. Significant alteration of soil bacterial communities and organic carbon decomposition by different long-term fertilization management conditions of extremely low-productivity arable soil in South China. **Environmental Microbiology** 18, 1907–1917.

8. Xun W[#], Xu Z[#], Li W, Ren Y, Huang T, Ran W, Wang B, Shen Q, Zhang R*. 2016. Long-term organic-inorganic fertilization ensures great soil productivity and bacterial diversity after natural-to-agricultural ecosystem conversion. **Journal of Microbiology** 54, 611–617.

9. Xun W[#], Huang T, Zhao J, Ran W, Wang B, Shen Q, Zhang R*. 2015. Environmental conditions rather than microbial inoculum composition determine the bacterial composition, microbial biomass and enzymatic activity of reconstructed soil

microbial communities. **Soil Biology and Biochemistry** 90, 10–18.